

KEMENESI GÁBOR



Pécsi Tudományegyetem
Természettudományi Kar
Biológiai Intézet

Cím: 7624 Pécs, Ifjúság útja 6.

KUTATÁSI TERÜLET BEMUTATÁSA

Magas biobiztonsági szintű (BSL3 és BSL4) felbukkanó - és újra felbukkanó fertőző betegségek kutatása a OneHealth koncepció jegyében. Új vírusok felfedezése, jellemzése és működésük komplex megértése, zoonótikus képességük (képesek-e állatról emberre ugrani) felmérése.

ELSAJÁTÍTHATÓ TECHNIKÁK

Molekuláris biológiai diagnosztikai eljárások, vírusgenom szevenálás, biovédelmi alapok, in vitro izolációs kísérletek (vírusszaporítás), evolúciós filogenetikai elemzések (eredetkutatás).

VÁLOGATOTT KÖZLEMÉNYEK

Kemenesi, G., Tóth, E. G., Mayora-Neto, M., Scott, S., Temperton, N., Wright, E., Mühlberger, E., Adam J. Hume, Ellen L. Suder, Zana, B., Boldogh A. S., Görföl, T., Estók, P., Lanszki, Zs., Somogyi, A. B., Nagy, Á., Pereszlényi, I. Cs., Dudás, Cs., Földes, F., Kurucz, K., Madai, M., Zeghibib, S., Maes, P., Vanmechelen, B., Jakab, F. (2022) Isolation of infectious Lloviu virus from Schreiber's bats in Hungary. **Nat Commun** 13: 1706.

Lanszki, Zs., Tóth E. G., Schütz, É., Zeghibib, S., Rusvai, Zs., Jakab, F., **Kemenesi, G.** (2022) Complete genomic sequencing of canine distemper virus with nanopore technology during an epizootic event. **Sci Rep** 12: 4116.

Hume, J. A., Heiden, B., Olejnik, J., Suder, L. E., Ross, S., Scoon, A. W., Bullitt, E., Ericsson, M., White, R. M., Turcinovic, J., Thao, T. N. T., Hekman, M. R., Kaserman, E. J., Huang, J., Alysandratos, K. D., Toth, E. G., Jakab, F., Kotton, N., Wilson, A. A., Emili, A., Thiel, V., Connor, H. J., **Kemenesei, G.**, Cifuentes, D., Mühlberger, E. (2022) Recombinant Lloviu virus as a tool to study viral replication and host responses **PLoS Pathog.**

Kemenesi, G., Tóth, E. G., Bajusz, D., Keserű, M. Gy., Terhes, G., Burián, K., Zeghibib, S., Somogyi B. A., Jakab, F. (2021) Effect of An 84-bp Deletion of the Receptor-Binding Domain on the ACE2 Binding Affinity of the SARS-CoV-2 Spike Protein: An In Silico Analysis **Genes** 12: 194.

Kemenesi, G., Zeghibib, S., Somogyi A. B., Tóth, G. E., Bányai, K., Solymosi, N., Szabó, M. P., Szabó, I., Bálint, Á., Urbán, P., Herczeg, R., Gyenesei, A., Nagy, Á., Pereszlényi, Cs. I., Babinszky, Cs. G., Dudás, G., Terhes, G., Zöldi, V., Lovas, R., Tenczer, Sz., Kornya, L., Jakab, F. (2020) Multiple SARS-CoV-2 Introductions Shaped the Early Outbreak in Central Eastern Europe: Comparing Hungarian Data to a Worldwide Sequence Data-Matrix. **Viruses** 12: 1401.