

PFLIEGLER VALTER PÉTER



Debreceni Egyetem
Természettudományi és Technológiai Kar
Biotechnológiai Intézet

Cím: 4032 Debrecen, Egyetem tér 1.

KUTATÁSI TERÜLET BEMUTATÁSA

Saccharomyces élesztőgombák domesztikációja, makro- és mikroevolúciója különösképp az embert kolonizáló és fertőző kládok tekintetében a genomika és kísérleti evolúció eszköztáiraival.

ELSAJÁTÍTHATÓ TECHNIKÁK

Genomika, Illumina, Oxford Nanopore, kísérleti evolúció, fenotipizálás, virulencia faktorok.

VÁLOGATOTT KÖZLEMÉNYEK

Imre, A., Kovács, R., Pázmándi, K., Nemes, D., Jakab, Á., Fekete, T., Rácz, H. V., Dóczy, I., Bácskay, I., Gácsér, A., Kovács, K., Majoros, L., Farkas, Z., Pócsi, I., **Pfliegler, P. W.** (2021) Virulence factors and in-host selection on phenotypes in infectious probiotic yeast isolates (Saccharomyces 'boulardii'). **Journal of Fungi** 7: 746.

Rácz, H.V., Mukhtar, F., Imre, A., Rádai, Z., Gombert, A.K., Rátonyi, T., Nagy, J., Pócsi, I., **Pfliegler, W.P.** (2021) How to characterize a strain? Clonal heterogeneity in industrial Saccharomyces influences both phenotypes and heterogeneity in phenotypes. **Yeast** 38: 453-470.

Imre, A., Rácz, H.V., Antunovics, Zs., Rádai, Z., Kovács, R., Lopandic, K., Pócsi, I., **Pfliegler, W. P.** (2019): A new, rapid multiplex PCR method identifies frequent probiotic origin among clinical Saccharomyces isolates. **Microbiological Research** 277: 126298.

Pfliegler, W. P., Boros, E., Pázmándi, K., Jakab, Á., Zsuga, I., Kovács, R., Urbán, E., Antunovics, Zs., Bácsi, A., Sipiczki, M., Majoros, L., Pócsi, I. (2017) Commercial strain-derived clinical Saccharomyces cerevisiae can evolve new phenotypes without higher pathogenicity. **Molecular Nutrition & Food Research** 61: 1601099.